

令和5年度 リカレント教育講座

オンライン開催
(ZOOMを使用)

生物統計とデータ解析

“実践的な生物統計解析の手法”を学ぶ！

近年の遺伝子の読み取り技術の飛躍的な進展は、医学、健康科学、食品生産、環境科学など様々な分野で、大きな発展をもたらしています。これらの膨大な遺伝子データを解析するためには、複雑な統計学的手法の理解が必須です。本講座では、遺伝情報に関わる実践的な統計学、およびその解析法を理解し、データリテラシーの向上を目指します。

対象	日程
一般の方 (どなたでも)	2024年1月11日(木)～1月26日(金) 全15回

講義日程

次世代シーケンサーデータの統計処理の基礎

講師 半田 佳宏 先生 博士(工学) 株式会社生物技研 取締役

1月11日(木)	12:40～14:10	第1回	生物学と情報学のおさらい
	14:20～15:50	第2回	次世代シーケンサーとは
	12:40～14:10	第3回	アンプリコン解析
1月12日(金)	14:20～15:50	第4回	ゲノム解析・メタゲノム解析
	16:00～17:30	第5回	リシーケンシング解析
1月18日(木)	12:40～14:10	第6回	ジェノタイピング解析
	14:20～15:50	第7回	RNAseq解析

具体的な解析手法の実例

講師 石井 俊一 先生 博士(工学) 国立研究開発法人海洋研究開発機構 副主任研究員

1月19日(金)	12:40～14:10	第8回	環境微生物と情報学
	14:20～15:50	第9回	メタゲノムによる微生物群集構造解析
	16:00～17:30	第10回	メタゲノムからの培養を介さないゲノム抽出法
1月25日(木)	12:40～14:10	第11回	比較ゲノミクス
	14:20～15:50	第12回	電気微生物と情報学
	16:00～17:30	第13回	刺激応答型メタトランスクリプトーム解析
1月26日(金)	12:40～14:10	第14回	Kbaseを用いた解析実習
	14:20～15:50	第15回	マルチメタオミックスの最新の動向

申込締切 : 1月3日(水)

受講料 : 9,000円

受講申し込みはこちら⇒



【お問合せ】

〒371-8510

群馬県前橋市荒牧町4-2

国立大学法人群馬大学

研究推進部産学連携推進課 荒牧センター事務室

☎ : 027-220-7449

✉ : shokukenkou-c@jimu.gunma-u.ac.jp



※アンケートや希望調査により、オンデマンド配信等も検討します

URL : <https://forms.gle/j9YEiUiREw5FJWM38>